

Annexe A.

Depuis l'avènement du Human Genome Project, l'humanité peut consulter son patrimoine génétique : les séquences de nucléotides de chacun de ses 23 chromosomes et leur décomposition en gènes (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/guide/human/>).

Les données afférentes à ces recherches sont innombrables et de natures hétérogènes. L'ensemble des bases de données également.

Si l'on considère une base de données dédiées aux séquences nucléotides spécifiquement comme GenBank par exemple, il faut considérer qu'une séquence appartient à une espèce, qu'elle peut contenir plusieurs gènes, qu'elle provient d'un tissu particulier. Par ailleurs, sa découverte a été confirmée par des publications dans des revues scientifiques. On donne un exemple de fichier de description obtenu pour une séquence extraite d'une de ces bases de données :

<u>LOCUS</u>	<u>SCU49845</u> <u>5028 bp</u> <u>DNA</u> <u>PLN</u> <u>21-JUN-1999</u>
<u>DEFINITION</u>	Saccharomyces cerevisiae TCP1-beta gene, partial cds, and Axl2p (AXL2) and Rev7p (REV7) genes, complete cds.
<u>ACCESSION</u>	U49845
<u>VERSION</u>	U49845.1 <u>GI</u> :1293613
<u>KEYWORDS</u>	.
<u>SOURCE</u>	baker's yeast.
<u>ORGANISM</u>	Saccharomyces cerevisiae Eukaryota; Fungi; Ascomycota; Hemiascomycetes; Saccharomycetales; Saccharomycetaceae; Saccharomyces.
<u>REFERENCE</u>	1 (bases 1 to 5028)
<u>AUTHORS</u>	Torpey,L.E., Gibbs,P.E., Nelson,J. and Lawrence,C.W.
<u>TITLE</u>	Cloning and sequence of REV7, a gene whose function is required for DNA damage-induced mutagenesis in Saccharomyces cerevisiae
<u>JOURNAL</u>	Yeast 10 (11), 1503-1509 (1994)
<u>MEDLINE</u>	95176709
<u>REFERENCE</u>	2 (bases 1 to 5028)
<u>AUTHORS</u>	Roemer,T., Madden,K., Chang,J. and Snyder,M.
<u>TITLE</u>	Selection of axial growth sites in yeast requires Axl2p, a novel plasma membrane glycoprotein
<u>JOURNAL</u>	Genes Dev. 10 (7), 777-793 (1996)
<u>MEDLINE</u>	96194260
<u>REFERENCE</u>	3 (bases 1 to 5028)
<u>AUTHORS</u>	Roemer,T.
<u>TITLE</u>	<u>Direct Submission</u>
<u>JOURNAL</u>	Submitted (22-FEB-1996) Terry Roemer, Biology, Yale University, New Haven, CT, USA
<u>FEATURES</u>	Location/Qualifiers
<u>source</u>	1..5028 /organism="Saccharomyces cerevisiae" <u>/db_xref="taxon:4932"</u> /chromosome="IX" /map="9"
<u>CDS</u>	<u><1..206</u> /codon_start=3 /product="TCP1-beta" <u>/protein_id="AAA98665.1"</u> <u>/db_xref="GI:1293614"</u> <u>/translation="SSIYNGISTSGLDLNNGTIADMRQLGIVESYKLRKRAVVSSASEA</u> AEVLLRVDNIIIRARPRRTANRQHM"
<u>gene</u>	687..3158 /gene="AXL2"
<u>CDS</u>	687..3158 /gene="AXL2" /note="plasma membrane glycoprotein" /codon_start=1 /function="required for axial budding pattern of S. cerevisiae" /product="Axl2p" <u>/protein_id="AAA98666.1"</u> <u>/db_xref="GI:1293615"</u> <u>/translation="MTQLQISLLLTATISLLHLVVPATPYE</u>